

```

#関数定義, for, if, 乱数生成
### 関数定義 #####
tmp <- function(x) {
  y <- x^2
  return(y)
}
str(tmp)
tmp(2)
tmp <- function(x) {y <- x^2; return(y)} # 波括弧とセミコロンで複数命令を一行に
tmp(3)
tmp <- function(x) return(x^2) # 一命令なら波括弧は不要
tmp(4)
tmp <- function(x) x^2 # 最後の命令の値が返り値とされる
tmp(3)
tmp <- function(x, y) x*y # 多変数関数
tmp(2, 3)
tmp <- function(x=1, y) x*y # 既定値付き変数
tmp(, 3) # =tmp(1, 3)
tmp <- function(x=1, y=2) x*y
tmp() # =tmp(1, 2)
tmp(y=4) # =tmp(1, y)
tmp(y=4, x=3)
x <- 3
tmp <- function(x) {x <- 2*x; return(x)}
tmp(3)
x # 関数内部の変数は外部には影響しない
tmp <- function(x) {y <- 2*x; return(y)} # 永続付値 <-
tmp(2)
y
tmp <- function(x) {x <- 2*x; return(x)} # 中身のyをxにしたらどうか?
tmp(2) # 2
x # 4, すでに変数が存在すれば変数のスコープは関数の外側になる.
### リスト返り値で複数の値を返す
tmp <- function(x, y) list(x=2, sin. x=sin(x), y=y, log. y=log(y))
z <- tmp(2, 3)
str(z)
z$sin.x # z[[2]] でも可
z$log.y # z[[4]] でも可
##練習問題1を解きましょう
#
### for文
for(x in 1:3) cat("x=", x, "x^2=", x^2, fill=TRUE)
# Rではループは遅くなりがち
x <- NULL; system.time(for(i in seq(10^5)) x <- c(x, sin(i)))
str(x)
# 最初に入れ物を用意しておくのと早くなる ※重要
x <- numeric(10^5); system.time(for(i in seq(10^5)) x[i] <- sin(i))
# ベクトル化演算は早い ※重要
system.time(x <- sin(seq(10^5)))
# apply関数族による繰り返しの隠蔽
system.time(x <- sapply(1:10^5, FUN=function(i) sin(i))) # 速度は向上し
ない
# 括弧で閉じてfor文の中身を複数行化
z <- numeric(3)
for(x in 1:3) {
  y <- x^2
  z[x] <- y
}
z
#
### 条件文
tmp <- function(x) if(x < 0) -x else x # 絶対値
tmp(2)
tmp(-2)
tmp(c(-2, 2)) # ベクトル化されていない
tmp <- function(x) ifelse(x < 0, -x, x) # ベクトル化if文
x <- seq(-2, 2); tmp(seq(-2, 2))
tmp <- function(x) if(x < 0) sin else cos
tmp(-2) # sin
tmp(-2) (pi/3) # = sin(pi/3)
#[]を使って複数命令を実行
tmp <- function(x) {

```

```

    if(x < 0){
      y <- x^2
      z <- x^3
    }else{
      y <- x^3
      z <- x^2
    }
    return(c(y, z))
  }
tmp(2)
tmp(-2)
##練習問題2を解きましょう
#
###乱数生成
# r+(乱数名)で乱数の生成
runif(10) # 一様分布から10個のサンプルを生成
rnorm(10) # 標準分布から10個のサンプルを生成
rnorm(10, 2, 4) # 平均2標準偏差4の正規分布から10個のサンプルを生成
# ヒストグラムの表示
hist(rnorm(100)) #標準正規分布100サンプル
hist(rnorm(100), breaks=20) #ビンを細かく
hist(rnorm(1000), breaks=30) #サンプルを増やす
hist(rnorm(10000), breaks=40) #サンプルをさらに増やす。安定してきた。
# 和, 平均, 分散, 標準偏差
sum(runif(10)) #和
mean(runif(10)) #平均
var(runif(10)) #分散
sd(runif(10)) #標準偏差
#サンプル数を増やしてみる
mean(runif(10^4)) # 理論値 0.5
var(runif(10^4)) # 理論値 1/12=0.08333...
#サンプル数をさらに増やしてみる
mean(runif(10^7)) # 理論値 0.5
var(runif(10^6)) # 理論値 1/12=0.08333...
#収束の様子を図示してみよう
x <- numeric(7); for(i in 1:7) x[i]<-mean(runif(10^i))
plot(x, type='l')
#何度か実行して重ね書き
par(new=F)
for(j in 1:5){
  for(i in 1:7) x[i]<-c(mean(runif(10^i)));
  plot(x, type='l', col=j, ylim=c(0.45, 0.55)); #ylimでy軸の範囲を指定
  par(new=T); #重ね書きモードにする
}
par(new=F)
#ちゃんと収束していることがわかる(大数の法則)
##
#こちらが指定した集合からのサンプリング
sample(seq(1, 5), 10, rep=TRUE) # 離散乱数(復元抽出)
sample(seq(1, 10), 10) # 非復元抽出(ランダム置換)
table(sample(seq(1, 10), 100, rep=TRUE)) # 集計
#乱数種の設定
set.seed(1234); runif(2) # 乱数種を与える
set.seed(1234); runif(2)
set.seed(4321); runif(2)
#分布の形
# d+(関数名)で確率密度関数
pd <- dnorm(seq(-4, 4, by=0.1))
pd
plot(seq(-4, 4, by=0.1), pd, type='l') #表示
curve(dnorm, -4, 4) #これでも良い。[-4, 4]の範囲
curve(dgamma(x, 3, 1), 0, 10) #ガンマ分布の確率密度関数, 形状母数3, 尺度母数1
curve(dunif(x), -1, 2) #一様分布の確率密度関数
#ヒストグラムと重ね書き
z <- rgamma(500, 2, 1) #ガンマ分布から500サンプル生成
plot(sort(z), dgamma(sort(z), 2, 1), type='l') #密度関数のプロット
hist(z, freq = FALSE, add=T, breaks=20) #ヒストグラムを上書き
#累積分布関数
x <- seq(-5, 5, by=0.1)
plot(x, pnorm(x), type='l')

```